



## Journées PROTÉOME VERT des 3 et 4 juin 2019

AgroParisTech, amphi Coléou

16 rue Claude Bernard , 75 005 Paris (Métro Censier – Daubenton)

<https://www6.inra.fr/proteome-vert/>

### Programme

#### Lundi 3 juin

**13h30 : Accueil**

**14h-14h40 : Stéphane Lemaire** (Laboratoire de Biologie Moléculaire et Cellulaire des Eucaryotes) : "Protéomique redox et biologie synthétique de la fixation du carbone et des réponses au stress chez Chlamydomonas"

**14h40 à 15h20 : Alexandre Giuliani** (Synchrotron SOLEIL) : "L'analyse des protéines au synchrotron SOLEIL"

**15h20-18h00 :**

15h20 – 15h40 : Véronique Santoni : Novel regulatory mechanisms of plant aquaporins revealed by interactomics

15h40 – 16h10 : Pause

16h10 – 16h30 : Elisabeth Jamet : Is there a core plant cell wall proteome?

16h30 – 16h50 : Brigitte Gontero : Une nouvelle sous-classe d'anhydrase carbonique dans le plancton marin

16h50 – 17h10 : Francis Fabre : Analyse protéomique du dialogue moléculaire responsable de la fusariose de l'épi chez le blé tendre

17h10 – 17h30 : Charlotte Henriot : Studying the interplay between sulfur nutrition and water stress tolerance in pea by proteomics: a focus on seed development and composition

**18h-19h : séance apéro-poster**

Journées soutenues par



**ProFI**  
PROTEOMICS



## Journées PROTÉOME VERT des 3 et 4 juin 2019

AgroParisTech, amphitheâtre Coléou

16 rue Claude Bernard, 75 005 Paris (Métro Censier – Daubenton)

<https://www6.inra.fr/proteome-vert/>

### Programme

#### Mardi 4 juin

**9h-9h40 : Jean-Michel Camadro** (Institut Jacques Monod, unité Mitochondries, Métaux et Stress Oxydant) : "SLIM-Labeling: principe, data processing workflows and applications in quantitative proteomics"

**9h40-10h20 : Denis Chéreau** (Institut Mutualisé pour les Protéines Végétales) : « Les défis liés à l'industrialisation de la production des protéines alternatives »

**10h20-10h40 : Pause**

**10h40-12h00 :**

10h40 – 11h00 : Céline Masclaux-Daubresse : Proteomic and lipidomic analyses of the Arabidopsis atg5 autophagy mutant reveal major changes in ER and peroxisome metabolisms and in lipid composition.

11h00 – 11h20 : Xu Wang : Label-free quantitative proteomics reveals the involvement of the N-end rule pathway in Arabidopsis thaliana seed responsiveness to ethylene

11h20 – 11h40 : Harold Duruflé : Sunflower hybrids and inbred lines adopt different molecular and physiological strategies to respond to water deficit

11h40 – 12h00 : Olivier Langella : Améliorations de X!TandemPipeline pour la protéomique haut débit et la métaprotéomique

**12h00-12h30 : Discussion générale**

Journées soutenues par



**ProFI**  
PROTEOMICS