



## **Journée PROTÉOME VERT du 29 mars 2017**

**AgroParisTech**

16 rue Claude Bernard , 75 005 Paris (Métro Censier - Daubenton)

### **Programme**

#### **9h30 - 10h : Accueil**

**10h-10h45** : Marie-Laure Martin-Magniette et Etienne Delannoy – From gene expression modeling to gene network to investigate Arabidopsis thaliana stress response

**10h45 - 11h30** : Christine Dillmann – Comment intégrer de l'information biologique dans les données de protéomique quantitative ?

**11h30 – 11h50** : Charlotte Henriet – Etude protéomique de la réponse du pois à une carence en soufre en interaction avec la sécheresse

**11h50 – 12h10** : Emmanuelle Bancel – Réponse du grain de blé à la nutrition azotée et soufrée : intégration de données « omiques »

**12h10 – 12h30** : Discussion « Biologie des systèmes »

#### **12h30 – 14h : Déjeuner à l'extérieur**

**14h – 14h20** : Yann Gohon – Structural proteomics: topology and relative accessibility of oil body proteins

**14h20 – 14h40** : Marien Have – Protease activities in autophagy mutants

**14h40 – 15h** : Thierry Balliau – Evaluation de la methode « tube-gel » de préparation des échantillons et optimisation pour la proteomique à haut débit

**15h – 15h20** : Frédéric Chauffour – Adaptation de l'approche SILAC pour l'étude de la régulation traductionnelle au cours de la germination

**15h20 – 15h40 : Pause**

**15h40 – 16h :** Karine Gallardo – Genome-wide association studies with proteomics data reveal genes important for synthesis, transport and packaging of globulins in legume seeds

**16h – 16h20 :** Sylvie Coursol – ZmMYB31, a R2R3-MYB transcription factor, triggers drought stress memory responses in maize

**16h20 – 16h40 :** Mélisande Blein-Nicolas – GWAS for protein expression under normal and water deficit conditions in maize leaves

**16h40 – 17h : Questions diverses**