



Journée PROTÉOME VERT du 29 mars 2017

AgroParisTech

16 rue Claude Bernard , 75 005 Paris (Métro Censier - Daubenton)

Programme

9h30 - 10h : Accueil

10h-10h45 : Marie-Laure Martin-Magniette et Etienne Delannoy – From gene expression modeling to gene network to investigate Arabidopsis thaliana stress response

10h45 - 11h30 : Christine Dillmann – Comment intégrer de l'information biologique dans les données de protéomique quantitative ?

11h30 – 11h50 : Charlotte Henriët – Etude protéomique de la réponse du pois à une carence en soufre en interaction avec la sécheresse

11h50 – 12h10 : Emmanuelle Bancel – Réponse du grain de blé à la nutrition azotée et soufrée : intégration de données « omiques »

12h10 – 12h30 : Discussion « Biologie des systèmes »

12h30 – 14h : Déjeuner à l'extérieur

14h – 14h20 : Yann Gohon – Structural proteomics: topology and relative accessibility of oil body proteins

14h20 – 14h40 : Marien Have – Protease activities in autophagy mutants

14h40 – 15h : Thierry Balliau – Evaluation de la methode « tube-gel » de préparation des échantillons et optimisation pour la proteomique à haut débit

15h – 15h20 : Frédéric Chauffour – Adaptation de l'approche SILAC pour l'étude de la régulation traductionnelle au cours de la germination

15h20 – 15h40 : Pause

15h40 – 16h : Karine Gallardo – Genome-wide association studies with proteomics data reveal genes important for synthesis, transport and packaging of globulins in legume seeds

16h – 16h20 : Sylvie Coursol – ZmMYB31, a R2R3-MYB transcription factor, triggers drought stress memory responses in maize

16h20 – 16h40 : Mélisande Blein-Nicolas – GWAS for protein expression under normal and water deficit conditions in maize leaves

16h40 – 17h : Questions diverses