

Programme de la journée Protéome Vert du 25 Janvier

Lieu : Université des Sciences et Technologies de Lille (Villeneuve d'Ascq), Polytech'Lille, salle Pasteur (rez-de-chaussée, entrée du côté de la ligne de métro). En haut à gauche sur le plan par rapport à la station de métro quatre cantons (4C)

Plan de l'USTL : <http://ustl1.univ->

lille1.fr/projetUstl/navigation/redirectIndex.asp?base=pratique&redir=../pratique/information/s/informations.asp%3Fprofil%3Dpratique

08h30 - 09h00 : Accueil café

09h00 - 09h15 : JL Hilbert

Présentation de l'UMR 1281 SADV USTL/INRA Stress Abiotiques et Différenciation des Végétaux Cultivés

9h15 - 9h35 : E Hussain (UMR 1281, SADV USTL/INRA, Lille)

Analyse protéomique chez des lignées recombinantes de Pois lors de l'acclimation au froid : stratégie de sélection des spots à identifier par ESI.

9h35 - 9h55 : M. Faurobert (INRA, Avignon)

Effet d'introggressions de QTL de qualité sur le protéome du fruit de tomate

09h55 - 10h15 : J. Renaut (Centre de Recherche Public – G. Lippmann, Luxembourg)

Comparing proteins induced by cold and salt stress in different potato clones

10h15 - 10H35 : Z. Daher (UMR 1088 INRA/CNRS, Dijon)

Importance des plastes de racines dans la symbiose mycorhizienne chez *Medicago truncatula*

10h35-11H00 : Pause café

11h00 - 11h20 : K. Chibani (UMR 204 INRA/INA PG, Paris)

Analyse protéomique de la dormance et de la germination chez *Arabidopsis thaliana* écotype Cvi

11h20-11h40 : J. Catusse (UMR 2847 CNRS/Bayer CropScience Lyon)

The awakening of the quiescent seed during germination as revealed by proteomics

11h40 -12h00 : H. Rogiaux (BIA, Nantes)

OVNlp : un logiciel pour la validation des protéines identifiées en protéomique et pour l'exploitation des données de séquençage de novo.

12h00-13h30 : Repas

13h30-13h50 B. Vallot (UMR de GENETIQUE VEGETALE, INRA/Univ. Paris XI/CNRS/INA PG, Le Moulon)

Bilan et développement de la plateforme de protéomique du Moulon.

13h50-14h10 E. Bancel (INRA UMR ASP-UBP Clermont Ferrand)

Bilan et développement de la plateforme de protéomique de Clermont

14h10-14h30 (UMR 5004 INRA, CNRS, ENSAM, UM 2 Montpellier)

Bilan et développement de la plateforme de protéomique de Montpellier

14h30-14h50J. Joets (UMR de GENETIQUE VEGETALE, INRA/Univ. Paris XI/CNRS/INA PG, Le Moulon) La base de données de protéomique PROTICdb : fonctionnalités, dernières nouveautés et perspectives

14h50 –17h Questions diverses

Programme COST

Avis sur Samespot de Nonlinear

Appel d'offre plateforme...